

همراهی پلیمورفیسم ژن CCL2 با استعداد ابتلا به بیماری هنوخ شوئن لاین در جمعیت شمال غرب ایران

مرتضی بنیادی^{۱*}, طاهره محمدیان^۲, ماندانا رفیعی^۳, مهناز صادقی شبستری^۴, فخرالسادات مرتضوی^۵

تاریخ دریافت ۱۳۹۳/۰۷/۰۷ تاریخ پذیرش ۱۳۹۳/۰۹/۱۲

چکیده

پیش زمینه و هدف: بیماری هنوخ شوئن لاین پورپورا یک بیماری خودالتهابی و واسکولیت عروق خونی کوچک بوده که غالباً در کودکان بروز می‌دهد. از علائم این بیماری وجود حساسیت پوستی به صورت پتشی و پورپورا، درگیری سیستم گوارش شامل شکم درد و خونریزی گوارشی و آرتربیت می‌باشد. مطالعات انجام شده نشانگر دخالت فاکتورهای عفونی و ژنتیکی در ابتلا به این بیماری می‌باشد. با توجه به اینکه در این بیماری خودالتهابی سایتوکاین‌ها نقش مهمی بر عهده دارند یکی از ژن‌های کدکننده کموکاین‌ها، CCL2، در مبتلایان به هنوخ از جمعیت شمال غرب کشور موردمطالعه قرار گرفت. برای نیل به این هدف پلیمورفیسم پرموموتی این ژن موردبررسی مولکولی قرار گرفت.

مواد و روش‌ها: ۴۰ نفر مبتلا به هنوخ توسط متخصصین ایمونولوژی و آرژی به مرکز ژنتیک تبریز ارجاع داده شده و پس از خون‌گیری و استخراج DNA بررسی مولکولی با استفاده از روش PCR-RFLP بر روی منطقه پرموموتی ژن موردنظر در مقایسه با ۵۰ نفر فرد شاهد بدون سابقه بیماری صورت پذیرفت. **یافته‌ها:** بررسی‌های آماری نشانگر ارتباط معنی‌داری بین پلیمورفیسم پرموموتی ژن CCL2 و استعداد ابتلا به بیماری هنوخ شوئن لاین را نشان داد به طوری که افزایش فرکانس ژنتیکی TT و TC و فرکانس آللی آلل T این پلیمورفیسم در گروه بیماران به طور معنی‌داری بالا بود. در حالی که فرکانس ژنتیکی CC و فرکانس آللی آلل C به طور معنی‌داری در این گروه پایین بود.

نتیجه‌گیری: پلیمورفیسم CCL2-۲۵۱۸T بر استعداد ابتلا به بیماری هنوخ شوئن لاین در منطقه شمال غرب ایران نقش دارد.

کلمات کلیدی: هنوخ شوئن لاین، سایتوکاین، پلیمورفیسم، واسکولیت، CCL2

مجله پزشکی ارومیه، دوره بیست و پنجم، شماره یازدهم، ص ۱۰۰۴-۹۹۸، بهمن ۱۳۹۳

آدرس مکاتبه: قطب علمی تنوع زیستی، دانشکده علوم طبیعی، دانشگاه تبریز، تبریز، مرکز تحقیقات سلامت کودکان، دانشگاه علوم پزشکی تبریز، تبریز تلفن: ۰۴۱۱۳۳۵۷۶۲۲

Email: jabbarpour@tabrizu.ac.ir

مقدمه

برخورد می‌کنند پروسه ایجاد بیماری شروع می‌شود. ماهیت این عوامل محرك خارجی دقیقاً مشخص نیست ولی فاکتورهای عفونی می‌توانند جزو این محركهای محسوب شوند (۲). آزمون تشخیصی خاصی برای بیماری هنوخ وجود ندارد و متخصصین با توجه به تظاهرات کلینیکی آن را تشخیص می‌دهند. در این بیماری درگیری سیستم ایمنی به صورت ته نشست ایمنوگلوبین A در بیوپسی بافتی مشاهده می‌شود.

هنوخ شوئن لاین (HSP) رایج‌ترین بیماری مربوط به واسکولیت عروق خونی کوچک می‌باشد که غالباً در کودکان دیده می‌شود. این بیماری با بروز سالانه ۱۸-۲۰ مورد از هر ۱۰۰۰۰ کودک اکثراً در فصل‌های پاییز و زمستان اتفاق می‌افتد (۱). هنوز مسائل بسیاری درباره این بیماری به صورت ناشناخته باقی‌مانده است اما تصور می‌شود که کودکانی که استعداد ژنتیکی برای ابتلا به این بیماری دارند زمانی که با یک عامل محرك خارجی

^۱ دکترای ژنتیک پژوهشکر، دانشیار دانشگاه تبریز، قطب علمی تنوع زیستی، دانشکده علوم طبیعی، دانشگاه تبریز، تبریز، مرکز تحقیقات سلامت کودکان، دانشگاه علوم پزشکی تبریز، ایران (نویسنده مسئول)

^۲ دانشجوی کارشناسی ارشد، قطب علمی تنوع زیستی، دانشکده علوم طبیعی، دانشگاه تبریز، تبریز، ایران

^۳ استاد گروه کودکان دانشگاه علوم پزشکی تبریز، مرکز تحقیقات گوارش و کبد، دانشگاه علوم پزشکی تبریز، ایران

^۴ دانشیار مرکز تحقیقات ریه و کلینیک ایمونولوژی و آرژی، بیمارستان کودکان، دانشگاه علوم پزشکی تبریز، ایران

^۵ استاد دانشگاه علوم پزشکی تبریز، بیمارستان کودکان تبریز، دانشگاه علوم پزشکی تبریز، ایران

با استفاده از روش RFLP ژنوتیپ افراد در جایگاه پلی مورفیک مربوطه تعیین گردید. مواد مورد استفاده در هر واکنش شامل $1\text{ }\mu\text{l}$ از دو پرایمر جلوبرنده و معکوس (10PM)، $0.5\text{ }\mu\text{l}$ از dNTP (0.8، 10mM)، $0.18\text{ }\mu\text{l}$ از Tag DNA (50Mm MgCl_2)، $3.5\text{ }\mu\text{l}$ از polymerase (10X) و $1\text{ }\mu\text{l}$ از DNA می‌باشد که با آب مقطر دوبار تقطیر به حجم نهایی ۲۵ رسانیده شد. شرایط دمایی ترموسایکل (ABI 22500) پس از بهینه سازی شامل موارد زیر بود: دمای واسرسته شدن اولیه ۹۶ درجه به مدت ۵ دقیقه سپس ۳۵ سیکل شامل ۹۶ درجه به مدت ۳۰ ثانیه، ۵۸ درجه به مدت ۳۰ ثانیه و ۷۲ درجه به مدت ۵ دقیقه. محصول PCR به دست آمده توسط آنزیم محدودگر (Fermentase) PvuII (۱) به مدت یک شبانه روز در دمای ۳۷ درجه در بن ماری قرار داده شد. محصولات هضم آنزیمی شده PCR بر روی ژل آکریل ۱۰ درصد الکتروفورز شده و پس از رنگ آمیزی با اتیدیوم بروماید در نور UV مشاهده شدند. آنزیم PvuII زمانی که آلل C در این جایگاه وجود دارد برش را انجام می‌دهد و دو قطعه ۱۲۱ بازی و ۱۷۲ بازی را تولید می‌کند؛ بنابراین در نمونه‌هایی با ژنوتیپ CC دو باند فوق الذکر و در ژنوتیپ TC سه باند ۲۹۷، ۱۲۱ و ۱۷۲ بازی مشاهده گردید (شکل ۱). برای اطمینان از صحت نتایج به دست آمده از روش sequencing، تعدادی از محصولات با استفاده از روش RFLP مورد تأیید قرار گرفته شدند.

تفاوت‌های ژنوتیپی و آلی موجود در میان گروه بیمار و کنترل با استفاده از آزمون فیشر و کای دو، بر حسب نیاز، مورد بررسی قرار گرفت. p کمتر از ۰.۰۵ به صورت نتایج معنی‌دار در نظر گرفته شده است.

یافته‌ها

برای بررسی پلی‌مورفیسم $\text{C}-2518\text{T}$ در ژن CCL2 ۴۰ کودک مبتلا به بیماری HSP و ۵۰ نفر فرد سالم به عنوان کنترل مورد مطالعه قرار گرفتند. از ۴۰ نفر بیمار ۱۶ نفر مذکور و ۲۴ نفر مؤنث بودند. طیف سنی افراد مبتلا بین ۴ تا ۱۳ سال بود. توزیع ژنوتیپی بین گروه کنترل و بیمار بررسی شد و مشاهده شد که فرکانس TT و TC به طور معنی‌داری در گروه بیماران در مقایسه با گروه کنترل بالا بود (۰/۴۴ و ۰/۴۵ درصد) و در مقایسه با ۰/۴۴ و ۰/۴۰ درحالی که فرکانس ژنوتیپی افراد با ژنوتیپ CC به طور معنی‌داری در این گروه پایین بود (۰/۲۵، ۰/۱۲ درصد) در مقایسه با ۱۲ درصد. نتایج بررسی‌ها بر روی فرکانس آلی حاکی از بالا بودن معنی‌دار آلل T در گروه بیماران نسبت به گروه کنترل در این

راش‌های پورپوریک در اندام‌های تحتانی عمدترين یافته‌های کلینيکي در بيماران مبتلا به HSP می‌باشد. علائم مفصلی و شکمی هم غالباً در مرحله حاد بيماري همراه با شواهدی از درگيری کلويی که با حضور خون یا پروتئين در ادرار بروز می‌کند دیده می‌شود (۲).

كموكاين‌ها خانواده‌اي از سايتوكاين‌هاي كمودراكتنت ۱ را تشکيل می‌دهند که همراه با سايتوكاين‌ها و پروتئازها برای مهاجرت مستقيم لوکوسیت‌ها در طول پروسه التهابي ضروري هستند (۳). كموكاين‌ها پروتئين‌های اتصال يابند به هپارین هستند که خانواده بزرگی از پپتيدها را می‌سانند، از لحاظ ساختاري مربوط به سايتوكاين‌ها هستند که عملکرد اصلی‌شان تنظيم تبادات بين سلولی است و نقش مهمی در فراخوانی مونوسيت‌ها، نوتروفيل‌ها و لنفوسيت‌ها دارند (۴).

Ccl2 يکی از كموكاين‌هاي انساني از خانواده كموكاين‌هاي cc می‌باشد که ژن کدکننده اين كموكاين بر روی بازوی بلند کروموزوم ۱۷ قرار گرفته است (۴).

تنوع ژنتيكي در ژن‌های التهابي از جمله پلی‌مورفيسمهای ژن‌های TGFB، VEGF، IL1B, IL1RA, ICAM1, IL8، استعداد ابتلا به بيماري يا تضاهرات کلینيکي مربوط به بيماري هنوخ مورد بررسی قرار گرفته است (۵-۱۰).

نقش کمو¹ کائن‌ها در بسياري از بيماري‌های روماتيسمي و واسکوليتي مثل بيماري کاوازاکي، بهجت و روماتيسم پلی مياگيا ۲ برسی شده است (۱۱-۱۳).

هدف ما در اين مطالعه بررسی تأثير پلی‌مورفيسم پرومоторی CCL2 ژن $\text{C}-2518\text{T}$ بر استعداد ابتلا به بيماري هنوخ شوئن لاين می‌باشد.

مواد و روش‌ها

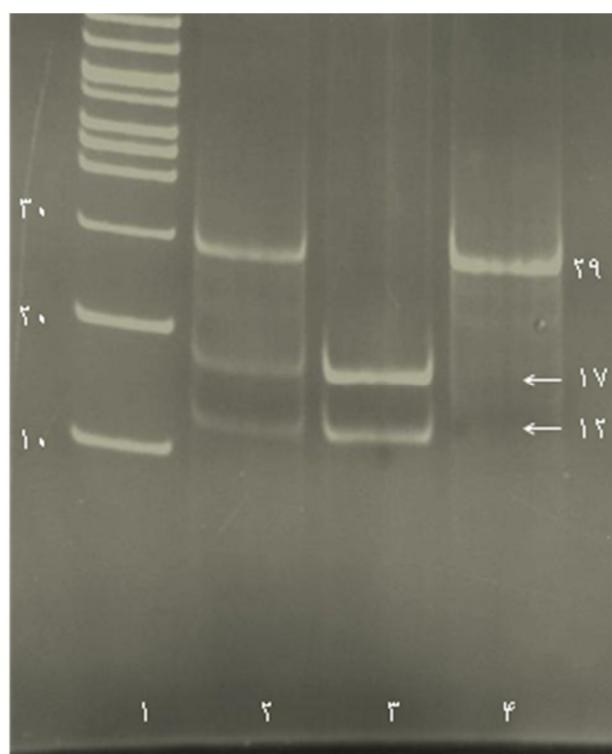
در اين مطالعه که به صورت کنترل - شاهد انجام شد از ۴۰ نفر بيمار مبتلا به هنوخ شوئن لاين که توسط متخصصين آرژي و ايمنولوژي به مرکز ژنتيك معرفی شده بودند خون گيری شد. گروه کنترل را ۵۰ نفر بزرگسال بدون سابقه ابتلا به بيماري‌های التهابي، ايمنولوژيکي تشکيل می‌دادند. هر دو گروه کنترل و بيمار از جمعيت شمال غرب ايران بودند. فرم رضایت توسط خانواده بيماران تكميل شد.

DNA ژنومی از گلبلوں سفید خون افراد، با استفاده از پروتکل استاندارد استخراج DNA اجمع آوري گردید. DNA حاصل با استفاده از روش PCR و پرایمرهای طراحی شده تکثیر گردید و

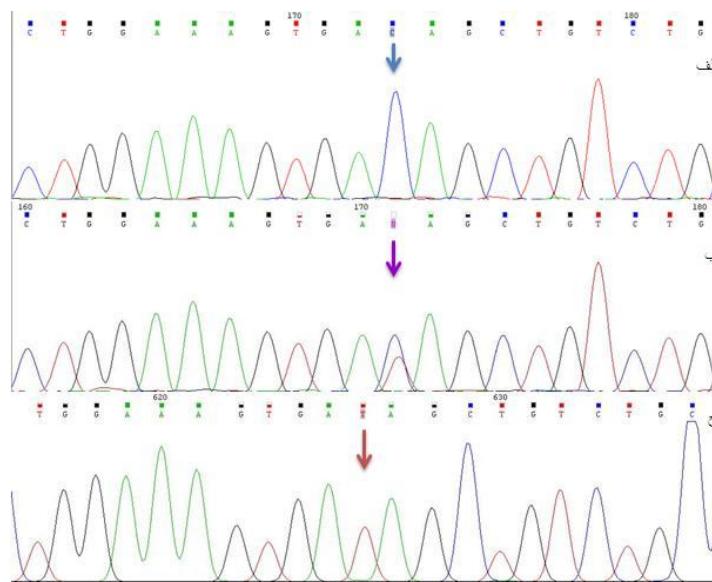
¹ chemotactic cytokines
² polymyalgia rheumatic

از نمونه‌ها به روش sequencing توالی یابی شدند که نمونه‌ای از آن در شکل شماره دو آورده شده است.

جمعیت بود (۸۲درصد در مقایسه با ۱۸درصد). نتایج حاصل از بررسی‌های آماری در جدول ۱ آورده شده است. همانطور که قبلاً اشاره شد برای اطمینان از صحت ژنتیک‌های تعیین شده تعدادی



شکل (۱): محصولات RFLP-PCR پلی مورفیسم CCL2 ژن ۱. مارکر ۲: ژنتیک ۳: TT، ژنتیک ۴: CC



شکل (۲): نتایج حاصل از توالی یابی ژن CCL2 در جایگاه ۲۵۱۸ (الف)
ج) ژنتیک CC (ب) ژنتیک TC (ج) ژنتیک TT

جدول (۱): توزیع ژنتیپی و آللی پلیمورفیسم C-۲۵۱۸ بین گروه کنترل و بیمار

P value	ratio Odds	کنترل (n=50)		بیمار (n=30)	ژنوتیپ ها
		تعداد درصد	(n=50)		
۰/۰۰۲	۲/۳۶۴	۴۴ ۲۲		۲۶ ۶۵	TT
۰/۰۰۴	۰/۱۸۸	۱۲ ۶		۱ ۲/۵	CC
۰/۰۴۷	۰/۶۱۳	۴۴ ۲۲		۱۳ ۳۲.۵	TC
آللهای					
۰/۰۰۴	۰/۴۲۹	۶۶ ۶۶		۶۵ ۸۱.۲۵	T
۰/۰۰۶	۰/۴۴۸	۳۴ ۳۴		۱۵ ۱۵	C

«مقادیر کمتر از ۰/۰۵ معنی دار در نظر گرفته شده است.

شواهدی از نقش VEGF (پلیمورفیسم های A→G-1154 و C→G-634) در ایجاد HSP وجود دارد (۹). MCP1 یکی از اعضای خانواده کموکاین ها می باشد که عملکرد آنها تحریک انواع لکوسیت ها می باشد. یافته های Hsin-Hui Yu و همکارانش نشان می دهد که کموکاین های پیش التهابی در بیماری زایی HSP نقش دارند. نتایج مطالعات آنها که در جمعیت چین انجام شده است پلیمورفیسم CCL2 C-2518T با این بیماری را در HSP را به عنوان یک فاکتور ریسک در استعداد ابتلا به بیماری معرفی می کند (۲۱). نتایج مطالعه حاضر که برای اولین بار بر روی جمعیت ایران در شمال غرب کشور انجام شده با تأیید نتایج این گروه، ارتباط پلیمورفیسم CCL2 با این بیماری را در این جمعیت نیز نشان می دهد.

نتیجه گیری

در مجموع نتایج حاصل از آزمایشات ما نشان می دهد که پلیمورفیسم C-۲۵۱۸T ژن کموکاین MCP1 به عنوان عضوی از خانواده کموکاین ها که نقش مهمی در فرایند التهاب دارند در استعداد ابتلا به بیماری هنوخ درگیر می باشد و می توان با انجام کارهای گسترش دهنده از جمله اندازه گیری سطح این کموکاین در بیماران نقش این کموکاین را بیشتر مورد مطالعه قرار داد. همین طور با تکرار این آزمایش در جمعیت های مختلف می توان تأثیر این پلیمورفیسم را بیشتر بررسی کرد.

References:

- Yao HY, Ya HC, Li CW, Hsin YH, M EG, Bor LC, The immunobiology of Henoch-Schönlein purpura. Autoimmunity Reviews 2008; 7:179-84.
- Smith G. Management of Henoch-Schönlein purpura. Paediatrics and Child Health 2008;18(8):358-63.

پورپورای هنوخ شوئن لاین یک واسکولیت غالب دوران کودکی می باشد که به ندرت در بزرگسالان دیده می شود. اتیولوژی بیماری HSP مشخص نمی باشد و فاکتورهای سیاری در آن دخیل می باشند. عوامل ژنتیکی به عنوان یک فاکتور احتمالی در استعداد ابتلا به این بیماری بسیار مطالعه قرار گرفته است. از جمله ژن های کاندید که تا کنون مطالعه شده اند ژن های HLA-DRB1*01 MEFV و ژنهای سایتو کائنهای می باشد (۱۴). حساسیت افزایش یافته به HSP در میان بیماران آنتی ژن لکوسیتی انسانی HLA-DRB1*01 یافت شده است. نقش ژن MEFV در این بیماری و سایر بیماری های التهابی بسیار مطالعه شده است. در این مطالعات افراد مبتلا به HSP از جمعیت های مختلف درصد بالایی از جمیش در ژن MEFV را نشان داده اند (۱۵-۱۸).

Yao-Hsu Yang و همکارانش نشان دادند که فراوانی ژنوتیپ TT ژن TGF- β -509 در کودکان چینی مبتلا به هنوخ بالا می باشد. (۱۰). یک گروه اسپانیایی نشان داده است که پلیمورفیسم پرموموتری NOS2A با ریسک ابتلا به بیماری در ارتباط است (۲۰، ۱۹). افزایش شدت درگیری کلیوی در بیماران HSP که حامل آلل T در جایگاه -۵۱۱ IL-1B ژن IL-1B هستند مشاهده شده است (۵). ارتباط پلیمورفیسم ژن IL-8 با آلل A با ریسک ابتلا به این بیماری گزارش شده است. (۷) همچنین

3. Proost P, Wuyts A, van Damme J. The role of chemokines in inflammation. *Int J Clin Lab Res* 1096;26: 211-23.
4. Deshmane SL, Kremlev S, Amini S, Sawaya BE. Monocyte chemoattractant protein-1 (MCP-1): an overview. *J Interferon Cytokine Res* 2009;29(6):313-26.
5. Amoli MM, Calviño MC, Garcia-Porrúa C, Llorca J, Ollier WER, Gonzalez-Gay MA. Interleukin 1beta gene polymorphism association with severe renal manifestations and renal sequelae in Henoch-Schönlein purpura. *J Rheumatol* 2004;31(2):295-8.
6. Amoli MM, Matthey DL, Calvino MC, Garcia-Porrúa C, Thomson W, Hajer AH, et al. Polymorphism at codon 469 of the intercellular adhesion molecule-1 locus is associated with protection against severe gastrointestinal complications in Henoch-Schönlein purpura. *J Rheumatol* 2001;28:1014e8.
7. Amoli MM, Thomson W, Hajer AH, Calvino MC, Garcia- Porrúa C, Ollier WE, et al. Interleukin 8 gene polymorphism is associated with increased risk of nephritis in cutaneous vasculitis. *J Rheumatol* 2002;29:2367e70.
8. Amoli MM, Thomson W, Hajer AH, Calvino MC, Garcia- Porrúa C, Ollier WE, et al. Interleukin 1 receptor antagonist gene polymorphism is associated with severe renal involvement and renal sequelae in Henoch-Schönlein purpura. *J Rheumatol* 2002;29:1404e7.
9. Rueda B, Perez-Armengol C, Lopez-Lopez S, Garcia-Porrúa C, Martin J, Gonzalez-Gay MA. Association between functional haplotypes of vascular endothelial growth factor and renal complications in Henoch-Schönlein purpura. *J Rheumatol* 2006;33:69e73.
10. Yang YH, Lai HJ, Kao CK, Lin YT, Chiang BL. The association between transforming growth factor-beta gene promoter C-509T polymorphism and Chinese children with Henoch-Schönlein purpura. *Pediatr Nephrol* 2004;19:972e5.
11. Wong M, Silverman ED, Fish EN. Evidence for RANTES, monocyte chemotactic protein-1, and macrophage inflammatory protein-1 beta expression in Kawasaki disease. *J Rheumatol* 1997;24:1179e85.
12. Bozoglu E, Dinc A, Erdem H, Pay S, Simsek I, Kocar IH. Vascular endothelial growth factor and monocyte chemoattractant protein-1 in Behcet's patients with venous thrombosis. *Clin Exp Rheumatol* 2005;23:S42e8.
13. Ellingsen T, Elling P, Olson A, Elling H, Baandrup U, Matsushima K, et al. Monocyte chemoattractant protein 1 (MCP-1) in temporal arteritis and polymyalgia rheumatica. *Ann Rheum Dis* 2000;59:775e80.
14. Rigante D, Castellazzi L, Bosco A, Esposito S. Is there a crossroad between infections, genetics, and Henoch-Schönlein purpura? *Autoimmun Rev* 2013;12(10):1016-21.
15. Yurtcu E1, Gokcan H, Yilmaz U, Sahin FI. Detection of MEFV gene mutations in patients with inflammatory bowel disease. *Genet Test Mol Biomarkers* 2009;13:87-90.
16. Villani A-C, Lemire M, Louis E, Silverberg MS, Collette C, Fortin G, et al. Genetic variation in the familial Mediterranean fever gene (MEFV) and risk for Crohn's disease and ulcerative colitis. *PLoS ONE* 2009;4(9):e7154.
17. Baruch R, Broza Y, Brik R. Prevalence and significance of mutations in the familial Mediterranean fever gene in henoch-schönlein purpura. *J Pediatr* 2003;143:658-61.
18. He X, Lu H, Kang S, Luan J, Liu Z, Yin W, et al. MEFV E148Q polymorphism is associated with Henoch-Schönlein purpura in Chinese children. *Pediatr Nephrol* 25(10):2077-82.

19. Demircin G, Oner A, Unver Y, Bulbul M, Erdogan O. Erythrocyte superoxide dismutase activity and plasma malondialdehyde levels in children with Henoch Schonlein purpura. *Acta Paediatr* 1998;87:848–52.
20. Martin J, Paco L, Ruiz MP, Lopez MA, Garcia-PC, Amoli MM, et al. Inducible nitric oxide synthase polymorphism is associated with susceptibility to Henoch-Schonlein purpura in northwestern Spain. *J Rheumatol* 2005;32:1081–5.
21. Yu H-H, Liu P-H, Yang Y-H, Lee J-H, Wang L-C, Chen W-J, et al. Chemokine MCP1/CCL2 and RANTES/CCL5 gene polymorphisms influence Henoch–Schönlein purpura susceptibility and severity. *J Formosan Med Assoc* 2013;12(7):1–6.

ASSOCIATION OF CHEMOKINE CCL2 GENE POLYMORPHISM WITH HENOCH SCHONLEIN PURPURA DISEASE IN NORTH-WEST OF IRAN

Mortaza Bonyadi¹, Tahereh Mohammadian², Mandana Rafeey³,
Mahnaz Sadeghi Shabestari⁴, Fakhrossadat Mortazavi⁵*

Received: 30 Sep , 2014; Accepted: 3 Dec , 201

Abstract

Background & Aims: Henoch–Schönlein purpura (HSP) is an autoinflammatory disease and systemic small vessel vasculitis that more frequently occurs in children. It is characterized by skin lesion such as Petechia and purpura, gasterointestinal involvement including abdominal pain and gastrointestinal bleeding and arthritis. Studies have shown that HSP could be due to different infections and genetic factors. Based on the fact that cytokines have important role in this inflammatory disease, CCL2- a chemokine encoding gene- is studied in HSP patients from northwestern Iran. To achieve this goal molecular analysis of polymorphism located in promoter region of this gene is performed.

Materials & Methods: This study was conducted on 40 HSP patients who were referred by immunology and allergy specialists to Genetic Center of Tabriz and after blood sampling and DNA extraction, molecular analysis with PCR-RFLP method was performed to genotype polymorphic region of promoter region of this gene. The results were compared to that of 50 ethnic-sex matched control healthy people.

Results: Statistical analysis shows significant association of this polymorphism with development of Henoch–Schönlein purpura disease in this cohort. The frequency of TT and TC genotypes and T allele of *CCL2 -C2518T* gene polymorphism were significantly higher in HSP patients.

Conclusion: *CCL2 C-2518T* gene polymorphisms were associated with susceptibility to HSP in Northwestern Iran.

Keywords: Henoch Schönlein purpura, Cytokines, Polymorphism, Vasculitis, CCL2

Address: Faculty of Natural Sciences, University of Tabriz, Tabriz, Iran

Tel:+98 4133357622

Email: jabbarpour@tabrizu.ac.ir

SOURCE: URMIA MED J 2015: 25(11): 1004 ISSN: 1027-3727

¹ PhD, Center of Excellence for Biodiversity, Faculty of Natural Sciences, University of Tabriz, Tabriz, Iran / Pediatric Health Research Center, Tabriz University of Medical Sciences (Corresponding Author)

² Msc Student, Center of Excellence for Biodiversity, Faculty of Natural Sciences, University of Tabriz, / Liver and Gastrointestinal Disease Research Center, Tabriz University of Medical Science, Tabriz, Iran

³ PhD, Liver and Gastrointestinal Research Center, Tabriz University of Medical Sciences, Tabriz, Iran

⁴ PhD, Associate Professor of Clinical Immunology and Allergy TB and Lung Research Center, Children Hospital, Tabriz University of Medical Sciences, Tabriz, Iran

⁵ PhD, Children Hospital, Tabriz University of Medical Science, Tabriz, Iran