

بررسی اثر کیناکرین روی بیان ژن *Wnt3a* در رده سلولی MDA-MB 231 و MCF7 سرطان پستان

سپیده دربهشتی^۱، عبدالرحیم نیک‌ضمیر^۲، سیامک سلامی^۳، رضا میرفخرایی^۴، مجید سیرتی‌ثابت^{۵*}

تاریخ دریافت ۱۳۹۹/۰۲/۰۱ تاریخ پذیرش ۱۳۹۹/۰۵/۰۵

چکیده

پیش‌زمینه و هدف: سلول‌های سرطان پستان سه‌گانه منفی به سلول‌های سرطانی اطلاق می‌شود که ژن گیرنده استروژن، پروژسترون و HER2 را بیان نمی‌کنند. مسیر انتقال پیام Wnt در توسعه و پیشرفت انواع مختلفی از سرطان‌ها مهم است. کیناکرین، که مشتقی از ۹-آمینوآکریدین است، دارای اثری مهارتی روی رشد برخی از سلول‌های سرطانی است. در این مطالعه، اثر کیناکرین روی بیان ژن *Wnt3a* که یکی از لیگاند‌های مهم مسیر Wnt است در رده سلولی سرطان پستان MDA-MB 231 و MCF7 بررسی شد. رده سلولی سرطان پستان MDA-MB 231 دارای خصوصیات سلول‌های سه‌گانه منفی است.

مواد و روش کار: سلول‌های سرطان پستان MDA-MB 231 و MCF7 با مقدار ۰/۵ میکرومولار کیناکرین به مدت ۷۲ ساعت تیمار شدند. مقدار دارو، بر اساس نتایج آزمایش MTT تعیین شد. بیان ژن *Wnt3a* از طریق Real-time PCR بررسی شد. نتایج با استفاده از آزمون‌های آماری مناسب ارزیابی شدند و بر مبنای $p < 0.05$ تحلیل شدند.

یافته‌ها: در این مطالعه داروی کیناکرین با مقدار ۰/۵ میکرومولار در مدت ۷۲ ساعت تغییری در بیان ژن *Wnt3a* در رده سلولی MDA-MB 231 نداشت ($p = 0.34$) اما در رده سلولی MCF7 بیان ژن *Wnt3a* به مقدار ۱/۳ کاهش یافت ($p < 0.05$).

بحث و نتیجه‌گیری: ژن *Wnt3a* نقش مهمی در مسیر انتقال پیام Wnt دارد و مطالعه حاضر نشان داد که کیناکرین در شرایط موردبررسی روی بیان این ژن در رده سلولی MDA-MB 231 که دارای خصوصیات سلول‌های سرطان پستان سه‌گانه منفی است اثر ندارد اما در رده سلولی MCF7 کاهش‌دهنده بیان ژن *Wnt3a* مشاهده شد.

کلیدواژه‌ها: بیان ژن، MCF7، MDA-MB 231، کیناکرین، *Wnt3a*

مجله مطالعات علوم پزشکی، دوره سی و یکم، شماره هفتم، ص ۵۳۸-۵۳۰، مهر ۱۳۹۹

آدرس مکاتبه: تهران، دانشگاه علوم پزشکی شهید بهشتی، دانشکده پزشکی، گروه بیوشیمی بالینی. تلفن: ۰۹۱۲۲۰۵۰۸۱۷

Email: sirati@sbm.ac.ir

مقدمه

پستان، یکی از مهم‌ترین عوامل تهدیدکننده سلامت زنان در دنیا است. در سال ۲۰۱۸ میلادی حدود دو میلیون نفر در سراسر دنیا به سرطان پستان مبتلا شدند که حدود ۶۸/۵ درصد این افراد در سن بعد از یائسگی بودند (۳). سرطان پستان ۲۵ درصد از انواع موارد سرطان در زنان را تشکیل می‌دهد و به همین خاطر شایع‌ترین نوع سرطان در زنان به حساب می‌آید (۴).

سرطان پستان سه‌گانه منفی (TNBC) از طریق کمبود بیان گیرنده استروژن، پروژسترون و گیرنده فاکتور رشد اپیدرمال انسانی

سرطان در نتیجه مجموعه‌ای از اتفاقات مولکولی پدید می‌آید که در نهایت سبب تغییر در خصوصیات طبیعی سلول‌ها می‌شوند. در سلول‌های سرطانی سازوکارهای کنترلی که در حالت طبیعی از رشد بیش‌ازاندازه سلول‌ها و تهاجم آن‌ها به سایر بافت‌ها جلوگیری می‌کنند دچار اختلال می‌شوند (۱).

سرطان پستان یک بیماری چندعاملی است که تاکنون نقش عوامل خطر مختلفی در بروز آن به اثبات رسیده است (۲). سرطان

^۱ کارشناسی ارشد بیوشیمی بالینی، گروه بیوشیمی بالینی، دانشکده پزشکی، دانشگاه علوم پزشکی شهید بهشتی، تهران، ایران

^۲ دانشیار، گروه بیوشیمی بالینی، دانشکده پزشکی، دانشگاه علوم پزشکی شهید بهشتی، تهران، ایران

^۳ دانشیار، گروه بیوشیمی بالینی، دانشکده پزشکی، دانشگاه علوم پزشکی شهید بهشتی، تهران، ایران

^۴ دانشیار، گروه ژنتیک پزشکی، دانشکده پزشکی، دانشگاه علوم پزشکی شهید بهشتی، تهران، ایران

^۵ دانشیار، گروه بیوشیمی بالینی، دانشکده پزشکی، دانشگاه علوم پزشکی شهید بهشتی، تهران، ایران (نویسنده مسئول)

نوع ۲ (Her-2) مشخص می‌شود. شواهد به‌دست‌آمده از مطالعات اپیدمیولوژیک نشان می‌دهند که تومورهای TNBC در مقایسه با سایر انواع سرطان پستان منجر به بروز پیش‌آگهی ضعیف‌تری می‌شوند. سلول‌های سرطان پستان سه‌گانه منفی عامل ۲۰-۱۰ درصد از انواع سرطان‌های پستان محسوب می‌شوند (۵). رده سلولی MDA-MB 231 سرطان پستان با داشتن الگوی مولکولی خاص، به‌عنوان رده سلولی با ویژگی سه‌گانه منفی شناخته می‌شود (۶). در رده سلولی MCF7، بیان گیرنده‌های استروژنی، پروژسترونی و Her-2 گزارش شده است (۷).

در سرطان، برخی از مسیرهای فیزیولوژیک از جمله مسیرهای هدایت پیام دستخوش تغییر می‌شوند (۸). در TNBC نیز بعضی از مسیرها از جمله مسیرهای مرتبط با آپوپتوز و تکثیر دچار اختلال می‌شوند (۹). بنابراین، مطالعه در مورد این مسیرها و تغییرات آن‌ها در ارتباط با سرطان حائز اهمیت است.

مسیر پیام‌رسانی Wnt در تعامل با برخی از مسیرهای پیام‌رسانی دیگر، در کنترل تکامل جنین و هموستاز بافت در موجودات بالغ نقش دارد. این مسیر پیام‌رسانی از نظر تکاملی محافظت شده است و جنبه‌های حیاتی مرتبط با تمایز نهایی سلول، مهاجرت سلولی، قطبیت، تعیین الگوی عصبی و ارگان‌زایی را در طی تکامل رویان تنظیم می‌کند (۱۰). این مسیر هم‌چنین در برخی از بافت‌ها در تکثیر سلولی و آپوپتوز نقش دارد (۱۱). برهم‌کنش بین لیگندهای Wnt و گیرنده‌های آن‌ها در سطح سلول اولین گام در تبدیل پیام خارج سلولی به پاسخ داخل سلولی است. لیگاند Wnt خارج سلولی چندین آبشار انتقالی داخل سلولی را فعال می‌کند که از جمله آن‌ها می‌توان به مسیر Wnt/ β -catenin یا مسیر متعارف اشاره کرد (۱۰). دو خانواده مجزا از گیرنده‌ها برای انتقال پیام Wnt متعارف مورد نیازند که شامل خانواده گیرنده‌های هفت‌بار گذرنده از عرض غشا که گیرنده‌های Frizzled یا FZD نام دارند و پروتئین‌های مرتبط با گیرنده‌های لیپوپروتئین با چگالی کم (گیرنده‌های LRP5/6) هستند (۱۲). در حین پیام‌رسانی، گیرنده‌های FZD با کمک پروتئین Wnt با مولکول‌های LRP5/6 ارتباط برقرار می‌کنند که یک‌بار از عرض غشا عبور کرده‌اند (۱۳).

در غیاب لیگاند Wnt، بتا-کاتنین سیتوپلاسمی جهت پروتئولیز توسط کمپلکس تخریبی بتا-کاتنین مورد هدف قرار می‌گیرد. این کمپلکس مجموعه‌ای پویا متشکل از پروتئین‌های مختلف است که هسته آن علاوه بر بتا-کاتنین شامل گلیکوژن سنتاز کیناز ۳ نوع β (GSK-3 β)، کازئین کیناز ۱ نوع α (CK1 α)، پروتئین داربستی اکسین و پروتئین آدنوماتوز پولیپوزیس کولای (APC) است. در این حالت، بتا-کاتنین فسفریله می‌شود و با اتصال یوبی کویترین به بتا-کاتنین فسفریله توسط یوبی کویترین لیگاز

در سرطان، برخی از مسیرهای فیزیولوژیک از جمله مسیرهای هدایت پیام دستخوش تغییر می‌شوند (۸). در TNBC نیز بعضی از مسیرها از جمله مسیرهای مرتبط با آپوپتوز و تکثیر دچار اختلال می‌شوند (۹). بنابراین، مطالعه در مورد این مسیرها و تغییرات آن‌ها در ارتباط با سرطان حائز اهمیت است.

مسیر پیام‌رسانی Wnt در تعامل با برخی از مسیرهای پیام‌رسانی دیگر، در کنترل تکامل جنین و هموستاز بافت در موجودات بالغ نقش دارد. این مسیر پیام‌رسانی از نظر تکاملی محافظت شده است و جنبه‌های حیاتی مرتبط با تمایز نهایی سلول، مهاجرت سلولی، قطبیت، تعیین الگوی عصبی و ارگان‌زایی را در طی تکامل رویان تنظیم می‌کند (۱۰). این مسیر هم‌چنین در برخی از بافت‌ها در تکثیر سلولی و آپوپتوز نقش دارد (۱۱). برهم‌کنش بین لیگندهای Wnt و گیرنده‌های آن‌ها در سطح سلول اولین گام در تبدیل پیام خارج سلولی به پاسخ داخل سلولی است. لیگاند Wnt خارج سلولی چندین آبشار انتقالی داخل سلولی را فعال می‌کند که از جمله آن‌ها می‌توان به مسیر Wnt/ β -catenin یا مسیر متعارف اشاره کرد (۱۰). دو خانواده مجزا از گیرنده‌ها برای انتقال پیام Wnt متعارف مورد نیازند که شامل خانواده گیرنده‌های هفت‌بار گذرنده از عرض غشا که گیرنده‌های Frizzled یا FZD نام دارند و پروتئین‌های مرتبط با گیرنده‌های لیپوپروتئین با چگالی کم (گیرنده‌های LRP5/6) هستند (۱۲). در حین پیام‌رسانی، گیرنده‌های FZD با کمک پروتئین Wnt با مولکول‌های LRP5/6 ارتباط برقرار می‌کنند که یک‌بار از عرض غشا عبور کرده‌اند (۱۳).

در غیاب لیگاند Wnt، بتا-کاتنین سیتوپلاسمی جهت پروتئولیز توسط کمپلکس تخریبی بتا-کاتنین مورد هدف قرار می‌گیرد. این کمپلکس مجموعه‌ای پویا متشکل از پروتئین‌های مختلف است که هسته آن علاوه بر بتا-کاتنین شامل گلیکوژن سنتاز کیناز ۳ نوع β (GSK-3 β)، کازئین کیناز ۱ نوع α (CK1 α)، پروتئین داربستی اکسین و پروتئین آدنوماتوز پولیپوزیس کولای (APC) است. در این حالت، بتا-کاتنین فسفریله می‌شود و با اتصال یوبی کویترین به بتا-کاتنین فسفریله توسط یوبی کویترین لیگاز

مواد و روش کار

کننده الیزا ارزیابی شد. مقدار IC_{50} و IC_{25} با استفاده از نرم افزار Prism Graphpad 6 محاسبه شد.

در این مطالعه از محلول تریزول (TRIZol) برای استخراج RNA تام استفاده شد. جهت نشان دادن حضور و خلوص RNA و آلودگی احتمالی با DNA از نسبت جذب $260/280$ و الکتروفورز ژل آگاروز استفاده شد. نمونه‌های مورد بررسی دارای نسبت جذب $260/280$ در دامنه $2 - 1/8$ بودند. برای از بین بردن ناخالصی DNA از کیت DNaseI treatment استفاده شد. سنتز cDNA توسط کیت شرکت Thermo Scientific مطابق دستورالعمل کیت انجام شد.

پرایمرهای ژن *Wnt3a* و بتادومیکروگلوبولین (βMG) توسط نرم افزار primer blast سایت NCBI طراحی شدند (جدول ۱). پرایمرها از نظر امپلیکونی که تکثیر خواهد شد، امکان تکثیر محصولات غیرامپلیکون مورد نظر، اندازه محصول، دمای ذوب و خواص ترمودینامیکی پرایمرها ارزیابی شدند. پرایمرها توسط شرکت پیشگام تهیه شدند.

جدول (۱): اطلاعات مربوط به پرایمرها

نام ژن	Reverse primer (5'→3')	Forward primer (5'→3')	اندازه محصول
βMG	TGCTTACATGTCTCGATCCCAC	TGCTTTTCAGCAAGGACTGGT	۱۴۳
<i>Wnt3a</i>	CGACTCCTGGTAGCTTTGTC	GGCCGAGGGCATCAAGATT	۱۳۰

یافته‌ها

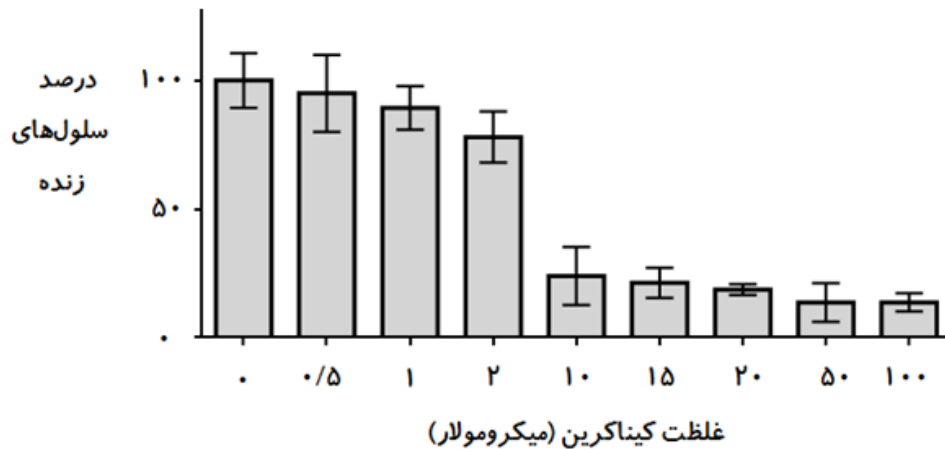
IC_{50} برای رده سلولی MDA-MB 231 (شکل ۱) و MCF7 پس از ۷۲ ساعت تیمار سلول‌ها با کیناکرین، به ترتیب برابر $3/7$ و $3/2$ میکرومولار به دست آمد. با توجه به مقدار IC_{25} ، در ادامه مطالعه جهت بررسی اثر کیناکرین روی بیان ژن مورد بررسی از غلظت $0/5$ میکرومولار کیناکرین استفاده شد. پس از تیمار سلول‌ها به مدت ۷۲ ساعت با غلظت $0/5$ میکرومولار کیناکرین، مولکول‌های RNA سلول‌ها استخراج شد و کیفیت RNA استخراج شده با استفاده از روش الکتروفورز ژل آگارز ارزیابی شد. در الکتروفورز ژل آگارز، باندهای rRNA $28S$ و rRNA $18S$ مربوط به سلول‌های کنترل همراه با سلول‌های تیمار شده با کیناکرین مشاهده شد (شکل ۲).

در این مطالعه تجربی از رده سلولی سرطان پستان MDA-MB 231 و MCF7 استفاده شد که از بانک سلولی ایران تهیه شدند. سلول‌ها در دمای 37 درجه سانتیگراد، رطوبت 96 درصد و CO_2 5 درصد در محیط کشت DMEM حاوی 10 درصد FBS و یک درصد آنتی‌بیوتیک پنی‌سیلین - استرپتومایسین کشت داده شدند.

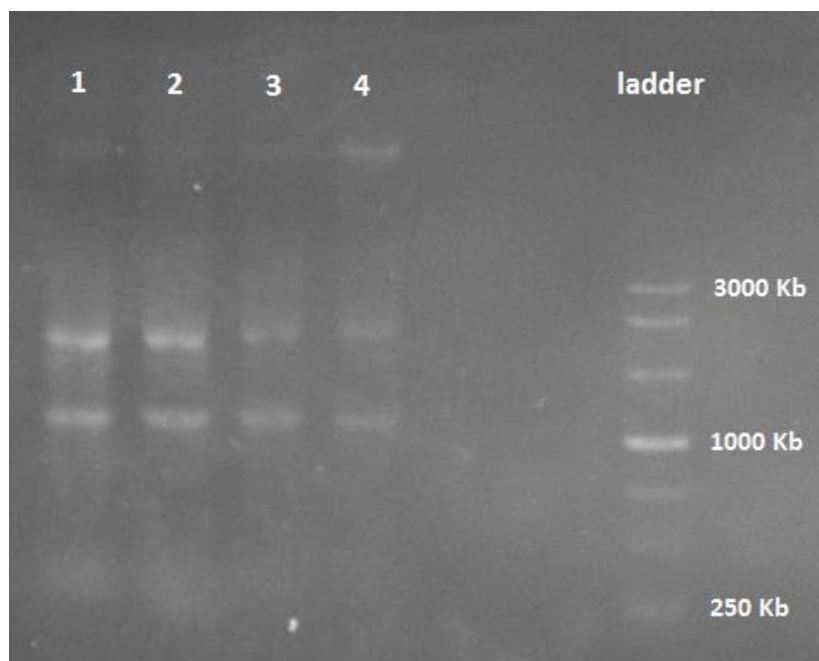
برای بررسی اثر سمیت کیناکرین (تهیه شده از شرکت سیگما) روی رده‌های سلولی مورد بررسی از روش MTT استفاده شد. بعد از تثبیت سلول‌ها در چاهک‌های میکروپلیت 96 چاهکی (5000 سلول در هر چاهک)، سلول‌ها به مدت 72 ساعت، با غلظت‌های $0/5$ ، 1 ، 2 ، 10 ، 15 ، 20 ، 50 و 100 میکرومولار از داروی کیناکرین با سه بار تکرار تیمار شدند. سپس، 10 میکرولیتر محلول mg/ml 5 از MTT در PBS به هر چاهک اضافه شد. پس از سه ساعت، بعد از تخلیه محلول موجود در هر چاهک و افزودن 100 میکرولیتر DMSO به هر چاهک، مقدار جذب محتویات هر چاهک و چاهک کنترل در طول موج 570 و 630 نانومتر توسط دستگاه قرائت

از روش qRT-PCR جهت بررسی تغییر بیان ژن مورد نظر استفاده شد. سایبرگرین برای ارزیابی تکثیر مورد استفاده قرار گرفت. در این مطالعه، از ژن رفرنس بتادومیکروگلوبولین (βMG) استفاده شد.

نتایج آمپلیکاسیون بر اساس منحنی ذوب و T_m به دست آمده از نظر تعداد محصول بررسی شد و سپس مقدار C_t به دست آمده برای هر مورد با توجه به C_t به دست آمده برای ژن بتادومیکروگلوبولین که ژن رفرنس در این مطالعه بود ارزیابی شد (20). برای محاسبه C_t و میزان بازده از نرم افزار LinReg استفاده شد. میزان بیان نسبی ژن *Wnt3a* بین دو گروه تیمار شده و تیمار نشده توسط نرم افزار REST ارزیابی شد. $P < 0.05$ به عنوان حد تعیین معنی‌دار انتخاب شد. آزمایشات سه بار تکرار شد.



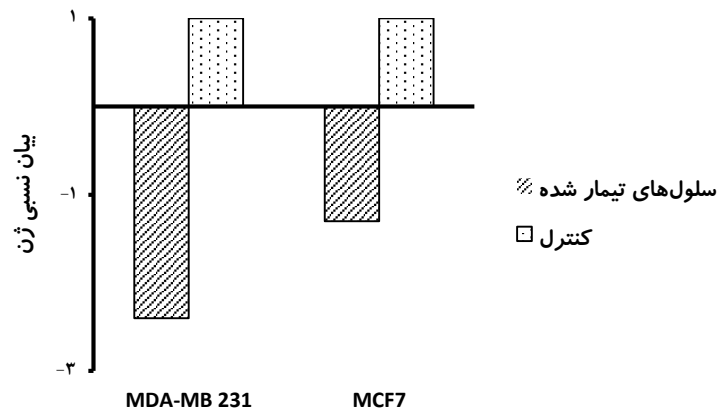
شکل (۱): منحنی مقدار- پاسخ تیمار رده سلولی MDA-MB 231 سرطان پستان با غلظت ۰/۵، ۱، ۲، ۱۰، ۱۵، ۲۰، ۵۰ و ۱۰۰ میکرومولار کیناکرین در مدت ۷۲ ساعت



شکل (۲): الکتروفورز ژل آگارز RNA استخراج شده. ستون یک الی چهار مربوط به نمونه‌های رده سلولی MDA-MB-231 است.

بیان ژن *Wnt3a* در رده سلولی MDA-MB 231 و MCF7 تیمار شده با غلظت ۰/۵ میکرومولار کیناکرین در مدت ۷۲ ساعت در مقایسه با سلول‌های کنترل به ترتیب ۲/۴ ($p = ۰/۳۴$) و ۱/۳ ($p < ۰/۰۵$) کاهش داشت (شکل ۳) که این تفاوت در مورد رده سلولی MDA-MB 231 معنی دار نبود.

در این مطالعه از ژن رفرنس بتادومیکروگلوبولین (β MG) استفاده شد و ارزیابی منحنی ذوب آمپلیکون مرتبط با ژن β MG و ژن *Wnt3a* بیان‌گر اختصاصی بودن پرایمرهای مورد استفاده در این مطالعه برای بررسی بیان این ژن‌ها بود.



شکل (۳): بیان ژن Wnt3A در رده سلولی MDA-MB 231 ($p = 0/34$) و MCF7 ($p < 0/05$) تیمار شده با غلظت ۰/۵ میکرومولار کیناکرین به مدت ۷۲ ساعت در مقایسه با کنترل

بحث و نتیجه‌گیری

در این مطالعه تجربی داروی کیناکرین تغییری در بیان ژن *Wnt3a* در رده سلولی MDA-MB 231 نداشت اما در رده سلولی MCF7 سبب کاهش بیان ژن *Wnt3a* شد. رده سلولی MCF-7 سرطان پستان تهاجمی و پیش‌رونده نیست و به‌طور معمول قابلیت متاستازی شدن پایینی دارد و یکی از رده‌های سلولی سرطان پستان است که بیش‌ترین تحقیقات در ارتباط با آن انجام شده است (۷، ۲۱). رده سلولی MDA-MB 231 سرطان پستان رده سلولی با خصوصیات سرطان پستان سه‌گانه منفی و با خاصیت سلول‌های بنیادی سرطان است که قدرت تهاجم بالایی دارد (۶، ۲۲).

نخستین بار ارتباط بین سرطان و مسیر Wnt با مشاهده بروز هایپرپلازی و تومور در پستان موش‌ها به دنبال فعال‌سازی ژن *int1* (*Wnt1*) به اثبات رسید (۲۳). اکنون مشخص شده است که طیف وسیعی از سرطان‌ها در انسان در اثر جهش در حداقل یکی از اجزای مسیر Wnt بروز می‌کنند. این جهش‌ها سبب افزایش پیام‌رسانی این مسیر به صورت غیروابسته به لیگاند می‌شوند (۱۵). یکی از مهم‌ترین مثال‌های این دسته از سرطان‌ها، سرطان کولورکتال است که در حدود ۸۵ درصد از موارد آن دارای جهش‌های از بین برنده عملکرد در ژن سرکوبگر تومور APC هستند که یکی از پروتئین‌های مسیر انتقال پیام Wnt است. از آنجایی که این پروتئین در تخریب بتا-کاتنین در غیاب لیگاند نقش دارد لذا، جهش در آن سبب افزایش غلظت بتا-کاتنین و به دنبال آن پیام‌رسانی غیرطبیعی Wnt می‌شود. یکی دیگر از اجزای مسیر Wnt که به‌طور عمده در سرطان‌های مختلف دچار جهش می‌شود، پروتئین بتا-کاتنین است. این جهش‌ها به‌طور معمول

جایگاه‌های فسفریلاسیون واقع در انتهای آمینی بتا-کاتنین را هدف قرار می‌دهند و به این ترتیب مانع از فسفریلاسیون و یوبی‌کویتینه شدن متعاقب آن می‌شوند. چنین جهش‌هایی از مولکول بتا-کاتنین، در طیف وسیعی از سرطان‌ها دیده می‌شوند. علاوه بر جهش‌های ذکر شده، جهش‌های از دست دادن عملکرد در اکسین که یکی از پروتئین‌های مسیر انتقال پیام Wnt است نیز در ۵ تا ۱۰ درصد از کارسینوماهای هیپاتوسلولار و تعداد کمی از سرطان‌های کولورکتال یافت می‌شوند که فاقد جهش در APC و بتا-کاتنین هستند (۲۴). در سرطان پستان جهش در اجزای ذکر شده به ندرت رخ می‌دهد، با این وجود تجمع بتا-کاتنین در داخل سیتوپلاسم بسیاری از نمونه‌های سرطان پستان دیده می‌شود. این امر خود شواهدی بر این است که جهش‌های موجود در سرطان پستان بیش‌تر در سایر اجزای این مسیر رخ می‌دهند که اغلب در بالادست مسیر واقع شده‌اند (۲۴). تا به امروز جهش‌های مرتبط با سرطان در مولکول‌های Wnt انسانی گزارش نشده‌اند. با این حال، بر اساس مطالعات متعدد مشخص شده است که بیان برخی از آن‌ها در سرطان پستان در مقایسه با بافت سالم تغییر می‌کند. گرچه هیچ نظر قطعی در رابطه با ژن‌های Wnt که در بافت پستان بیان می‌شوند وجود ندارد اما بیان حداقل هفت مورد از آن‌ها در غدد پستانی موش گزارش شده است. هم‌چنین، بیان مولکول‌های Wnt نوع ۲، ۳، ۴، ۵A، ۷B، ۱۳ و ۱۴ در بافت پستان انسان گزارش شده است. به دلیل شباهت‌های ساختاری موجود بین لیگاندهای Wnt مختلف، این پروتئین‌ها به‌طور معمول مسیر انتقال پیام مشابهی را اتخاذ می‌کنند. این مسیر مشترک شامل بتا-کاتنین سیتوپلاسمی است. برای لیگاندهای که مسیر Wnt/ β -catenin را تحریک می‌کنند، بیان بیش از حد آن‌ها برای تثبیت بتا-کاتنین

سرطان‌ها و مهار فعالیت آنزیم توپوایزومراز اشاره کرد (۱۹، ۲۷، ۲۸).

در پژوهش حاضر از غلظت ۰/۵ میکرومولار کیناکرین جهت تیمار سلول‌ها به منظور بررسی بیان ژن *Wnt3a* استفاده شد. با توجه به مطالعه Preet و همکارانش این غلظت بسیار کم‌تر از غلظتی است که کیناکرین ۶۰ درصد کاهش رشد را در رده سلولی MCF-10A ایجاد می‌کند که دارای خصوصیات اپی‌تلیال شبه‌طبیعی پستان است (۲۸). بنابراین، می‌توان در نظر گرفت که کیناکرین در غلظتی که در این پژوهش استفاده شد تأثیر ناچیزی روی سلول‌های طبیعی پستان دارد.

در این مطالعه اثر داروی کیناکرین روی بیان ژن *Wnt3a* در دو رده سلولی سرطان پستان ارزیابی شد. در شرایط این مطالعه داروی کیناکرین که تاکنون اثرات ضدسرطانی مختلفی از آن گزارش شده است روی میزان بیان ژن *Wnt3a* در رده سلولی MDA-MB 231 سرطان پستان که دارای خصوصیات سرطان پستان سه‌گانه منفی است و خاصیت سلول‌های بنیادی سرطان را نیز دارد اثری نداشت اما روی رده سلولی MCF-7 که ته‌جمی و پیش‌رونده نیست و به‌طور معمول قابلیت متاستازی شدن پایینی دارد اثر داشت.

با توجه به این که در این پژوهش از غلظت ۰/۵ میکرومولار کیناکرین استفاده شده است می‌توان برای بررسی جامع‌تر در خصوص اثر کیناکرین روی بیان ژن *Wnt3a* در سرطان پستان از غلظت‌های بیش‌تر دارو استفاده کرد.

تشکر و قدردانی

مقاله حاضر مستخرج از پایان‌نامه دانشجویی خانم سپیده دربهشتی با شماره ثبت ۲۶۵/م در دانشکده پزشکی دانشگاه علوم پزشکی شهید بهشتی است. نویسندگان مقاله از کلیه کسانی که در انجام این پژوهش همکاری داشته‌اند قدردانی می‌کنند.

References:

1. Angahar T. An Overview of Breast Cancer Epidemiology, Risk Factors, Pathophysiology, and Cancer Risks Reduction. *MOJ Biol Med* 2017;1(4):1-5.
2. Shah R, Rosso K, Nathanson SD. Pathogenesis, prevention, diagnosis and treatment of breast cancer. *World J Clin Oncol* 2014;5(3):283-98.
3. Heer E, Harper A, Escandor N, Sung H, McCormack V, Fidler-Benaoudia MM. Global burden and trends

پیش‌بینی می‌شود و ممکن است عواقبی مشابه اثرات آنکوژنی ژن‌های *Wnt* در غدد پستان موش را داشته باشند (۲۴). در این میان نقش لیگاند *Wnt3a* حائز اهمیت است. این لیگاند در سرطان‌های مختلف عملکردهای متفاوتی را از خود نشان می‌دهد. نقش *Wnt3a* در تقویت رشد و تکثیر با کمک نقش آن در مخالفت با عمل مهار *8-Bromo-7-methoxychrysin* بر خودنوسازی سلول‌های بنیادی کبد و تقویت خودنوسازی سلول‌های بنیادی یا پیش‌ساز در برخی از لوسمی‌های حاد مغز استخوان و رده‌های سلولی حاد لنفوبلاستیک قابل توجه است (۱۶). به علاوه، مشخص شده است که *Wnt3a* تکثیر سلول‌های رده MCF-7 سرطان پستان را افزایش می‌دهد. *Wnt3a* منجر به کاهش غلظت بتا-کانتین استیل‌ه در این سلول‌ها می‌شود و از این طریق تکثیر آن‌ها را افزایش می‌دهد. استیل‌اسیون بتا-کانتین، عمل فسفریلاسیون را در آن تقویت می‌کند. شواهد نشان می‌دهند که در سلول‌های سرطانی پستان در حضور لیگاند *Wnt3a*، آنزیم داستیل‌از HDAC6 سبب داستیل‌اسیون بتا-کانتین می‌شود. این تنظیم اپی‌ژنتیک منجر به افزایش پایداری بتا-کانتین و انتقال آن به داخل هسته می‌شود و برهم‌کنش آن با فاکتور رونویسی TCF4 را افزایش می‌دهد و از این طریق سبب تقویت رونویسی ژن‌های پایین‌دست می‌شود (۱۶، ۲۵).

کیناکرین یکی از مشتقات ۹-آمینوآکریدین است که در سال‌های اخیر اثر آن در مقابله با سرطان‌های مختلف از جمله سرطان پستان ارزیابی شده است (۲۶). اثر ضدسرطانی این دارو با سازوکار پیچیده‌ای انجام می‌شود. از جمله این موارد می‌توان به مهار فسفولیپاز A2 و کاهش ساخت آراشیدونیک اسید، افزایش پروتئین Bax، کاهش بازدارنده سلولی پروتئین ۱ آپوپتوز (۱-cIAP)، افزایش فعالیت آنزیم کاسپاز ۳، کاهش عملکرد NF- κ B، مهار فعالیت پروتئین AKT، فعال کردن پروتئین P53 در برخی از

in premenopausal and postmenopausal breast cancer: a population-based study. *Lancet Glob Health* 2020;8(8):e1027-e37.

4. Bray F, Ferlay J, Soerjomataram I, Siegel RL, Torre LA, Jemal A. Global cancer statistics 2018: GLOBOCAN estimates of incidence and mortality worldwide for 36 cancers in 185 countries. *CA-Cancer J Clin* 2018;68(6):394-424.
5. Boyle P. Triple-negative breast cancer: epidemiological considerations and

- recommendations. *Ann Oncol* 2012;23(suppl 6):7-12.
6. Chavez KJ, Garimella SV, Lipkowitz S. Triple negative breast cancer cell lines: one tool in the search for better treatment of triple negative breast cancer. *Breast Dis* 2010;32(1-2):1-17.
 7. COMŞA Ş, Cimpean AM, Raica M. The story of MCF-7 breast cancer cell line: 40 years of experience in research. *Anticancer Res* 2015;35(6):3147-54.
 8. Dreesen O, Brivanlou AH. Signaling pathways in cancer and embryonic stem cells. *Stem Cell Rev* 2007;3(1):7-17.
 9. Bilir B, Kucuk O, Moreno CS. Wnt signaling blockage inhibits cell proliferation and migration, and induces apoptosis in triple-negative breast cancer cells. *J Transl Med* 2013;11(1):1-12.
 10. Komiya Y, Habas R. Wnt signal transduction pathways. *Organogenesis* 2008;4(2):68-75.
 11. Lindvall C, Bu W, Williams BO, Li Y. Wnt signaling, stem cells, and the cellular origin of breast cancer. *Stem Cell Rev* 2007;3(2):157-68.
 12. Huang H-C, Klein PS. The Frizzled family: receptors for multiple signal transduction pathways. *Genome Bio* 2004;5(7):1-7.
 13. Mikels A, Nusse R. Wnts as ligands: processing, secretion and reception. *Oncogene* 2006;25(57):7461-8.
 14. Jung Y-S, Park J-I. Wnt signaling in cancer: therapeutic targeting of Wnt signaling beyond β -catenin and the destruction complex. *Exp Mol Med* 2020;52:183-91.
 15. Jackstadt R, Hodder MC, Sansom OJ. WNT and β -Catenin in Cancer: Genes and Therapy. *Annu Rev Cancer Biol* 2020;4:177-96.
 16. He S, Lu Y, Liu X, Huang X, Keller ET, Qian C-N, et al. Wnt3a: functions and implications in cancer. *Chin J Cancer* 2015;34(3):1-9.
 17. Eriksson A, Österroos A, Hassan S, Gullbo J, Rickardson L, Jarvius M, et al. Drug screen in patient cells suggests quinacrine to be repositioned for treatment of acute myeloid leukemia. *Blood Cancer J* 2015;5(4):1-8.
 18. Gurova K. New hopes from old drugs: revisiting DNA-binding small molecules as anticancer agents. *Future Oncol* 2009;5(10):1-28.
 19. Ehsanian R, Van Waes C, Feller SM. Beyond DNA binding—a review of the potential mechanisms mediating quinacrine's therapeutic activities in parasitic infections, inflammation, and cancers. *Cell Commun Signal* 2011;9(1):1-18.
 20. Pfaffl MW. A new mathematical model for relative quantification in real-time RT-PCR. *Nucleic Acids Res* 2001;29(9):1-6.
 21. Lee AV, Oesterreich S, Davidson NE. MCF-7 cells—Changing the course of breast cancer research and care for 45 years. *J Natl Cancer Inst* 2015;107(7):1-4.
 22. Angelucci C, Maulucci G, Colabianchi A, Iacopino F, D'Alessio A, Maiorana A, et al. Stearoyl-CoA desaturase 1 and paracrine diffusible signals have a major role in the promotion of breast cancer cell migration induced by cancer-associated fibroblasts. *Br J Cancer* 2015;112(10):1675-86.
 23. Zhan T, Rindtorff N, Boutros M. Wnt signaling in cancer. *Oncogene* 2017;36(11):1461-73.
 24. Howe LR, Brown AM. Wnt signaling and breast cancer. *Cancer Biol Ther* 2004;3(1):36-41.
 25. Wang S-H, Li N, Wei Y, Li Q-R, Yu Z-P. β -catenin deacetylation is essential for WNT-induced proliferation of breast cancer cells. *Mol Med Rep* 2014;9(3):973-8.
 26. Satapathy SR, Siddharth S, Das D, Nayak A, Kundu CN. Enhancement of cytotoxicity and inhibition of angiogenesis in oral cancer stem cells by a hybrid nanoparticle of bioactive quinacrine and silver: Implication of base excision repair cascade. *Mol Pharm* 2015;12(11):4011-25.
 27. Gurova KV, Hill JE, Guo C, Prokvolit A, Burdelya LG, Samoylova E, et al. Small molecules that

reactivate p53 in renal cell carcinoma reveal a NF- κ B-dependent mechanism of p53 suppression in tumors. P Natl Acad Sci USA 2005;102(48):17448-53.

28. Preet R, Mohapatra P, Mohanty S, Sahu SK, Choudhuri T, Wyatt MD, et al. Quinacrine has anticancer activity in breast cancer cells through inhibition of topoisomerase activity. Int J Oncol 2012;130(7):1660-70.

THE EFFECT OF QUINACRINE ON THE EXPRESSION OF WNT3A GENE IN MDA-MB 231 AND MCF7 BREAST CANCER CELL LINES

Sepideh Darbeheshti¹, Abdolrahim Nikzamir², Siamak Salami³, Reza Mirfakhraie⁴, Majid Sirati-Sabet⁵

Received: 20 April, 2020; Accepted: 26 July, 2020

Abstract

Background & Aims: Triple-negative breast cancer cells refer to any breast cancer that does not express the genes for the estrogen, progesterone, and HER2 receptors. The Wnt signaling pathway is important in the development and progression of various types of cancers. Quinacrine, a derivative of 9-aminoacridine, has been shown to inhibit the growth of several types of cancer cells. In this study, we examined the effect of Quinacrine on *Wnt3a* gene of Wnt signaling pathway in breast cancer cell lines MDA-MB 231 and MCF7. MDA-MB 231 cell line has triple-negative breast cancer cell properties.

Materials & Methods: Breast cancer cell lines, MDA-MB 231 and MCF7, were treated with 0.5 μ M Quinacrine for 3 days. The dose was selected using the MTT assay. The expression of *Wnt3a* gene was quantified by Real-time PCR. Significance of observations was checked by means of appropriate statistical methods using $p < 0.05$ as the level of significance.

Results: Quinacrine did not have a meaningful effect on *Wnt3a* gene expression on the MDA-MB 231 cell line ($p = 0.34$) in 0.5 μ M concentration for 72 hours, but a decrease in *Wnt3a* gene expression of 1.3 times was observed in MCF7 cell line ($p < 0.05$).

Conclusion: The *Wnt3a* gene is important in the Wnt signaling pathway and the present study demonstrated that Quinacrine could not affect the expression of this gene in the MDA-MB 231 cell line, however in the MCF7 cell line, a decrease in the *Wnt3a* gene expression was observed.

Keywords: Gene expression, MCF7, MDA-MB 231, Quinacrine, *Wnt3a*.

Address: Department of Clinical Biochemistry, School of Medicine, Shahid Beheshti University of Medical Sciences, Tehran, Iran

Tel: +989122050817

Email: sirati@sbmu.ac.ir

SOURCE: STUD MED SCI 2020: 31(7): 538 ISSN: 2717-008X

¹ MSc Student in Clinical Biochemistry, Department of Clinical Biochemistry, School of Medicine, Shahid Beheshti University of Medical Sciences, Tehran, Iran.

² Associate Professor, Department of Clinical Biochemistry, School of Medicine, Shahid Beheshti University of Medical Sciences, Tehran, Iran.

³ Associate Professor, Department of Clinical Biochemistry, School of Medicine, Shahid Beheshti University of Medical Sciences, Tehran, Iran.

⁴ Associate Professor, Department of Medical Genetics, School of Medicine, Shahid Beheshti University of Medical Sciences, Tehran, Iran.

⁵ Associate Professor, Department of Clinical Biochemistry, School of Medicine, Shahid Beheshti University of Medical Sciences, Tehran, Iran (Corresponding Author).